

Programme des 11ème Journées de Gerland « Systèmes Complexes et Biologie ».

11-12 décembre 2006, ENS Lyon, Amphithéâtre Charles Mérieux, 46 allée d'Italie, 69007 Lyon

Lundi 11 décembre

09h20 - 10h00	Michel MORVAN (<i>Institut des Systèmes Complexes, ENS Lyon</i>) Introduction aux systèmes complexes.
10h00 - 10h40	Michel MORANGE (<i>Régulation de l'expression génétique, ENS Paris</i>) Quelle est la nature de la complexité en biologie? Existe-t-il des lois la régissant?
10h40 - 11h10	Pause café
11h10 - 11h50	Denis THIEFFRY (<i>Institut de biologie du développement, Marseille Luminy</i>) Modélisation logique des réseaux de régulation génétiques.
11h50 - 12h30	François KEPES (<i>Programme d'Épigénomique, Genopole®, Evry</i>) Épigénomique des réseaux de régulation biologique : le cas du modèle solénoïde des chromosomes.
12h30 - 14h00	Repas
14h00 - 14h40	Nadine PEYRIERAS (<i>Développement, évolution et plasticité du système nerveux, Gif sur Yvette</i>) Vers une reconstruction des dynamiques multi-échelles dans la morphogenèse animale.
14h40 - 15h20	Alain PROCHIANTZ (<i>Développement et évolution du système nerveux, ENS Paris</i>) Comment faire un bord avec des morphogènes cérébraux : fluctuation et robustesse.
15h20 - 15h50	Pause café
15h50 - 16h30	Guy THERAULAZ , (<i>Centre de Recherche sur la Cognition Animale, Toulouse</i>) Les comportements collectifs complexes chez les insectes sociaux : mécanismes et modèles.
16h30 - 17h10	Pierre AUGER (<i>Centre IRD, Bondy</i>) Méthodes de réduction de la complexité : Agrégation de variables et applications en Biologie.
17h10 - 17h50	Olivier GANDRILLON (<i>Centre de Génétique Moléculaire et Cellulaire, Lyon</i>) De l'intérêt des SMAs pour modéliser des structures biologiques et leur évolution dans le temps et l'espace.

Mardi 12 décembre

09h00 - 09h40	Yves JACOB (<i>Unité Génétique, Papillomavirus et Cancer humain, Institut Pasteur Paris</i>) Cartographie à large échelle des interactions entre protéines virales et protéines cellulaires: nouvelles approches en double-hybride à haut-débit, validations biochimiques et fonctionnelles.
09h40 - 10h20	Vincent LOTTEAU (<i>Immunobiologie fondamentale et clinique, IFR128 Lyon</i>) Projet I-MAP : Infection Mapping Project
10h20 - 10h50	Pause café
10h50 - 11h30	Guillaume BESLON (<i>Département d'Informatique, INSA, Lyon</i>) Evolution et Robustesse : un équilibre complexe aux conséquences inattendues.
11h30 - 12h10	Emmanuel GRENIER (<i>Unité de Mathématiques Pures et Appliquées, ENS Lyon</i>) Qualitative and quantitative models of stroke.
12h10 - 12h20	Présentation CREALYS , incubateur Rhône Alpes Ouest
12h20 - 13h40	Repas
13h40 - 14h20	Yves COUDER (<i>Régulation de l'expression génétique, ENS Paris</i>) La géométrie d'un tournesol : sélection et stabilité des arrangements phyllotaxiques durant la croissance.
14h20 - 15h00	Jacques DEMONGEOT (<i>Institut d'ingénierie de l'information de la Santé, La Tronche</i>) Systèmes complexes et monde ARN.
15h00 - 15h30	Pause café
15h30 - 16h10	Jan TRAAS (<i>Reproduction et développement des plantes, IFR128 Lyon</i>) La modélisation d'un système complexe: vers la fleur virtuelle.
16h10 - 16h50	Annick LESNE (<i>Physique Théorique de la Matière Condensée, Université Pierre et Marie Curie, Paris</i>) Régulation transcriptionnelle: une conjonction multi-échelles et multi-forme des réseaux de gènes et de la fibre de chromatine.